Casusrapport SARS-CoV-2-uitbraakonderzoek

Achtergrond: wanneer GGD’en een uitbraakonderzoek met sequencing hebben ingezet, verzoeken wij hen om de LCI van de conclusie(s) van het onderzoek op de hoogte te stellen door onderstaande tabel in te vullen en via **beveiligde mail** te sturen naar [covidclusters@rivm.nl](mailto:covidclusters@rivm.nl).

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| GGD | | | | *[GGD naam]* | |
| Contactpersoon GGD m.b.t. deze melding | | | | *[naam]* | |
| Datum | | | | *[datum]* | |
| HPZone Situation nummer | | | | *[nummer]* | |
| Setting cluster. Indien setting met ‘subunits’ (zoals school met klassen, verpleeghuis met afdelingen) specificeer zowel de hoofdsetting (bijv. basisschool) als de subunit(s) waar het cluster speelde (bijv. groep 3 (1 klas)) | | | | *[beschrijving]* | |
| Vraagstelling bij dit clusteronderzoek (selecteer 1 of meer van de opties hiernaast): |  | We wilden onderzoeken of de cases in dit cluster epidemiologisch én moleculair gelinkt zijn | | | |
|  | We wilden weten of er in dit cluster sprake is van een nieuwe virus variant | | | |
|  | Omdat het een cluster met gevaccineerde personen betrof, wilden we weten om welke virusstam(men) het ging | | | |
|  | We hadden een andere onderzoeksvraag, namelijk: *...* | | | |
| Totaal aantal blootgestelden in setting (indien bekend) | | | | | *[aantal]* |
| Indien van toepassing: maak voor het aantal blootgestelden onderscheid tussen type personen (bijvoorbeeld leraren, leerlingen, etc.) | | | *[vul hier type in, bijv. leraren]* | | *[aantal]* |
| *[vul hier type in, bijv. leerlingen]* | | *[aantal]* |
| *[vul hier type in]* | | *[aantal]* |
| *[vul hier type in]* | | *[aantal]* |
| Totaal aantal positief bevonden in setting | | | | | *[aantal]* |
| Indien van toepassing: maak voor het aantal positief bevonden onderscheid tussen type personen (bijvoorbeeld leraren, leerlingen, etc.) | | | *[vul hier type in, bijv. leraren]* | | *[aantal]* |
| *[vul hier type in, bijv. leerlingen]* | | *[aantal]* |
| *[vul hier type in]* | | *[aantal]* |
| *[vul hier type in]* | | *[aantal]* |
| Eerste ziektedag (EZD) van eerst gevonden patiënt behorend tot dit cluster | | | | | *[datum]* |
| EZD van de laatst gevonden patiënt behorend tot dit cluster | | | | | *[datum]* |
| Hoeveel positief geteste personen in dit cluster waren gevaccineerd?  Indien bekend graag ook aangeven hoeveel van hen 2 doses hebben gehad, en van hen dan ook hoeveel <2 weken en >2 weken voor besmetting gevaccineerd waren. | | | | | *[aantal]* |
| Aantal samples voor sequencing ingestuurd | | | | | *[aantal]* |
| Aantal samples met sequencing resultaat | | | | | *[aantal]* |
| Laboratorium waar sequencing is verricht | | | | *[naam laboratorium]* | |
| Conclusie op basis van resultaten sequencing | | | | *[open tekst]* | |
| Eindconclusie (= antwoord op de vraagstelling(en) bij dit clusteronderzoek) | | | | *[open tekst]* | |
| Waren er nog andere bijzondere bevindingen? | | | | *[open tekst]* | |
| Welke maatregelen zijn getroffen (op advies van de GGD) om de uitbraak te stoppen? | | | | *[open tekst]* | |