



Bijlage 3 Ziektelast en risicobeoordeling bij pluimvee en mens

Influenza kan worden veroorzaakt door een groot aantal verschillende virusstammen. De risico's van de diverse influenzastammen voor de dier- en volksgezondheid zijn zeer uiteenlopend, en als gevolg van de snelle mutatie van de virussen en de mogelijke recombinitie van het genetisch materiaal van verschillende stammen tot op zeker hoogte onvoorspelbaar.

Ziektelast van AI bij pluimvee

Infecties met hoogpathogene virussen kenmerken zich door ernstige ziektebeelden bij pluimvee en deze gaan gepaard met hoge sterfte (tot 100%) van de dieren van een besmet koppel. Infectie met laagpathogene AI leidt bij pluimvee meestal niet of nauwelijks tot klinische symptomen.

Ziektelast van AI bij mensen

HPAI kan bij overdracht naar mensen leiden tot grote ziektelast en kans op overlijden. LPAI is ook voor mensen meestal laagpathogeen. Echter, de H7N9 uitbraak in China (2013) heeft aangetoond dat - in uitzonderlijke gevallen - LPAI bij dieren wel hoogpathogeen kan zijn voor de mens. LPAI-virussen hebben – met uitzondering van de H7N9 uitbraak in China in 2013 - wereldwijd slechts een klein aantal menselijke infecties met in het algemeen milde klachten veroorzaakt. Het is dus mogelijk dat een LPAI-virus bij mensen alsnog een ernstig ziektebeeld veroorzaakt.

Responsteam beoordeling consequenties voor preventieve maatregelen rondom mensen

Bij het bepalen van de preventieve maatregelen bij mensen is de kans op overdracht van dier naar mens en de verwachte ziektelast bij de mens het uitgangspunt. Op basis van de beschikbare kennis moet per situatie een risico-inschatting worden gedaan om de gevolgen voor dier én mens optimaal te beperken. Om dit snel en flexibel te kunnen doen, zijn afspraken gemaakt tussen RIVM-CIb, WBVR, NVWA en GGD'en om snel gegevens over verdenking/vaststelling van AI te delen.

Rationale van monitoring bij blootgestelden

Om snel zicht te krijgen op de gevolgen van een specifieke variant HxNx voor mensen, blijft het belangrijk om bij elk vermoeden van aviaire influenza, **ook voor pluimvee laagpathogene typen** (maar die niet veterinair bestrijdingsplichtig zijn) klachten bij mensen te monitoren. Alleen zo kan een varianttype dat toch leidt tot ziektelast bij mensen tijdig worden herkend. Op het moment dat aviaire influenza bij dieren wordt herkend zijn direct betrokken veehouders, gezinsleden, werknemers vaak al geruime tijd blootgesteld. Veehouders, gezinsleden, werknemers dienen actief te worden gevraagd naar klachten. Actieve monitoring leidt tot meer kennis over de overdrachtskans van specifieke varianten naar de mens, wat de kwaliteit van de advisering verbetert.

Literatuurreview

Een systematische literatuurreview van ziekteverschijnselen en typen aviaire influenza bij mensen is uitgevoerd tot januari 2014. In totaal zijn 386 cases van humane infectie met niet-A(H5N1) hoogpathogene aviaire influenza beschreven. De varianten waarbij de meeste overdracht naar mensen is gedocumenteerd betreffen behalve H5, de varianten H7 en H9. Daarnaast zijn infecties met H6 en H10 beschreven. Over het algemeen wordt er een milde ziektelast beschreven. (Freidl GS et al, Influenza at the animal-human interface: a review of the literature for virological evidence of human infection with swine or avian influenza viruses other than A(H5N1). Eurosurveillance 2014;19(18):pii=20793)